

人MPO双抗夹心ELISA检测试剂盒

请在实验前仔细阅读本说明书

产品货号: KE00171

规格: 96T

灵敏度: 9.1 pg/mL

检测范围: 31.25 - 2000 pg/mL

用途: 此试剂盒用于定量检测血清、血浆、细胞上清、唾液以及细胞裂解液中人MPO浓度

本产品仅用于科学研究，不适用于临床诊断

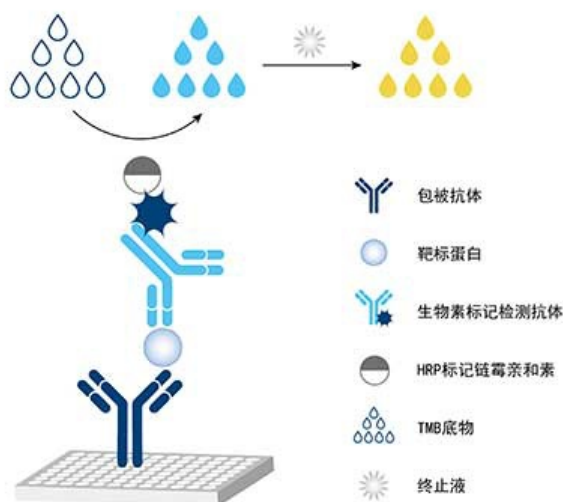
目录

一：背景信息	3
二：检测原理	3
三：需自备的实验器材	3
四：试剂盒组分及储存	4
五：实验注意事项	4
六：样本准备	5
七：试剂准备	5
八：实验步骤	6
九：实验参数	7
9.1 参考标曲图	7
9.2 精密度	8
9.3 加标回收率	8
9.4 样本值	9
9.5 灵敏度	9
9.6 线性	10
十：参考文献	10

一：背景信息

髓过氧化物酶（MPO）存在于髓系细胞（主要是白细胞和单核细胞）的嗜天青颗粒中，其水平及活性变化代表着嗜中性多形核白细胞(PMN)的功能和活性状态。MPO催化过氧化氢（H₂O₂）和氯离子（Cl⁻）或非氯卤化物的等效物，生成次氯酸（HClO）。这种酶促系统在人类抵御微生物方面发挥着重要作用。血清与血浆中MPO水平的异常与多种疾病有关，包括炎症性疾病、动脉粥样硬化、缺血性中风、高血压、心力衰竭、心血管疾病等。

二：检测原理



◀双抗夹心模式图 (检测抗体标记生物素)

按操作顺序形成抗体夹心结构后，加入TMB底物，板孔液体由无色变成蓝色，再加入终止液液体变为黄色后进行吸光度值测定。

三：需自备的实验器材

- 3.1 酶标仪 (可读取450 nm和630 nm双波长);
- 3.2 高精度移液器及一次性移液器枪头;
- 3.3 洗板机 (亦可手动洗板);
- 3.4 EP管 (用于稀释标准品及样本);
- 3.5 吸水毛巾或滤纸 (用于拍干);
- 3.6 烧杯和量筒;
- 3.7 用于ELISA实验的数据分析的统计拟合软件 (推荐四参数拟合方法), 如: Origin, ELISA Calc等。

四：试剂盒组分及储存

英文名称	中文名称	规格	数量
Microplate	预包被酶标板 - 96孔板	8孔 × 12条	1 块
Protein standard	标准品 - 冻干粉状 *	4000 pg/瓶	2 瓶
Detection antibody, biotinylated (100×)	生物素标记检测抗体浓缩液 (100×) **	120 μL/支	1 支
Streptavidin-horseradish peroxidase (HRP) (100×)	HRP标记链霉亲和素浓缩液 (100×) **	120 μL/支	1 支
Sample Diluent PT 1	样本稀释液 PT 1 (用于人血清、血浆以及唾液样本)	30 mL/瓶	2 瓶
Sample Diluent PT 1-sc	样本稀释液 PT 1-sc (用于细胞上清和细胞裂解液样本)	30 mL/瓶	2 瓶
Detection Diluent	抗体稀释液	30 mL/瓶	1 瓶
Wash Buffer Concentrate (20×)	浓缩洗涤液 (20×)	30 mL/瓶	1 瓶
Extraction Reagent	裂解液	30 mL/瓶	1 瓶
Tetramethylbenzidine Substrate (TMB)	显色底物 TMB	12 mL/瓶	1 瓶
Stop Solution	终止液	12 mL/瓶	1 瓶
Plate Cover Seals	封板膜		4 张
储存条件： 1：未开启试剂盒可在2-8℃条件下存放6个月或者在-20℃条件下存放1年 2：已开启试剂盒可在2-8℃存放7天 3：每次实验均使用新的标准品,使用后丢弃			

* 使用对应的样本稀释液对标准品进行复溶，复溶过程避免产生气泡

** 开盖前请离心

五：实验注意事项

- 5.1 避免皮肤接触终止液以及TMB 显色液；
- 5.2 在实验过程中，注意穿戴个人防护装备，如实验服，手套，口罩和护目镜；
- 5.3 请勿将不同批次的试剂进行混用，过期产品请勿使用；
- 5.4 在使用自动洗板机时，板孔加入洗涤液之后，设置30秒的浸泡程序，以提高分析的精确度。

六：样本准备

6.1 血清：全血标本室温凝固 30 min后1000×g 离心15 min，取上清立即使用或分装后-20°C存放，避免反复冻融。

6.2 血浆：可用EDTA、肝素或柠檬酸盐作为抗凝剂，标本采集后1000×g 离心15 min，立即使用或分装后-20°C存放，避免反复冻融（注意：标本溶血会影响检测结果，因此溶血标本不宜进行检测）。

6.3 细胞上清：收集细胞培养液，500×g 离心5 min取上清，立即使用或分装后-20°C存放，避免反复冻融。

6.4 唾液：收集唾液后10000×g 离心5 min，取上清立即使用或分装后-20°C存放，避免反复冻融。

6.5 细胞裂解液：收集细胞后，用预冷(2-8°C)的1×PBS洗3次，500×g离心5 min。细胞计数，离心弃上清；加PMSF至细胞裂解液中，终浓度为1 mM；按每 1×10^7 个细胞，加入1 mL细胞裂解液(含PMSF)，冰上裂解30 min，其间上下颠倒使裂解更充分，超声波破碎处理，8000×g-10000×g离心5 min，分离上清，分装后-80°C存放，并用BCA蛋白浓度测定试剂盒测定总蛋白浓度，避免反复冻融。

七：试剂准备

7.1 洗涤液（1×）：

如果洗涤液（20×）有晶体析出，37°C加热至晶体全部溶解。按1:20稀释倍数进行稀释：如取30 mL 浓缩洗涤液（20×），加入570 mL 超纯水或去离子水，得到洗涤液（1×）。

7.2 检测抗体（1×）：

开盖前瞬时离心，按1:100比例进行稀释，稀释前根据预先计算实验所需的总量配制（100 μL/孔），实际配制时应多配制0.1-0.2 mL。如10 μL 检测抗体浓缩液（100×）加 990 μL 抗体稀释液进行配制，轻轻混匀。

7.3 HRP 标记链霉亲和素（1×）：

开盖前瞬时离心，按1:100比例进行稀释，稀释前根据预先计算实验所需的总量配制（100 μL/孔），实际配制时应多配制0.1-0.2 mL。如10 μL HRP 标记的链霉亲和素浓缩液（100×）加 990 μL 抗体稀释液进行配制，轻轻混匀。

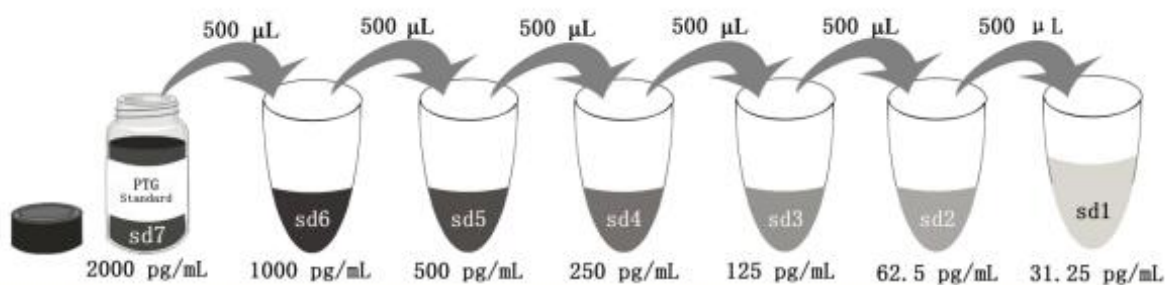
7.4 待检测样本：

不同的样本使用相应的样本稀释液进行稀释，如果样本检测值超过标曲最高范围，可将样本进行一定的稀释后再进行实验，使样本的检测值处于标曲范围内，不同样本的稀释倍数需自行优化。

稀释比推荐如下：人血清、血浆样本1:400或1:800稀释；细胞上清样本1:20或1:40稀释；细胞裂解液样本1:4000或1:8000稀释；唾液样本1:2000或1:4000稀释；样品采集、处理和储存的差异可能导致测值的改变。

7.5 梯度稀释的标准品：

检测人血清、血浆以及唾液样本，使用2 mL PT 1 样本稀释液复溶标准品；检测细胞上清和细胞裂解液样本，使用2 mL PT 1-sc 样本稀释液复溶标准品；具体操作如下：



Add # µL of Standard diluted in the previous step	—	500 µL	500 µL	500 µL	500 µL	500 µL	500 µL
# µL of Sample Diluent PT 1 or PT 1-sc	2000 µL	500 µL	500 µL	500 µL	500 µL	500 µL	500 µL
	"sd7"	"sd6"	"sd5"	"sd4"	"sd3"	"sd2"	"sd1"

八：实验步骤

实验前，需要将所需试剂在室温平衡20-30 min(检测抗体浓缩液、HRP标记链霉亲和素浓缩液不需要平衡室温，即用即取)；在进行标准品、样本以及不同试剂加样时，更换枪头，避免接触微孔板的内表面，不同的试剂，使用不同的加样槽。

8.1 根据实验用量，取出需要用到的酶标板条，剩余板条加入干燥剂放入铝箔袋密封后存放于4°C，并于一周之内用完；

8.2 加样，分别设零孔、标准孔、待测样本孔。零孔加样本稀释液100 µL，余孔分别加梯度稀释的标准品或待测样本100 µL/孔，注意不要产生气泡(建议标准品和样本都做复孔，尽量避免实验误差，确保上样不间断，5-10 min完成加样)；

8.3 酶标板盖上覆膜，37°C孵育2 h；

8.4 洗涤

1) 揭开封板膜(动作轻柔，避免动作过大导致液体溢出串孔)，弃液体，拍干；

2) 洗涤液(1×)洗涤板条，每孔350-400 µL，洗涤后，甩掉液体拍干板条，重复此步骤4次，避免异物进入板孔以及板条干燥；

8.5 每孔加100 µL 检测抗体(1×)(参照试剂准备部分7.2)，盖上封板膜，37°C孵育1 h；

8.6 重复步骤8.4；

8.7 每孔加 100 µL HRP标记链霉亲和素(1×)(参照试剂准备部分7.3)，盖上封板膜，37°C孵育40 min；

8.8 重复步骤8.4；

8.9 显色：每孔加TMB显色液100 µL，37°C避光显色 15-20 min (如果颜色偏浅，可适当延长显色时间，不超过30 min；保持显色底物始终处于避光状态，显色底物在加样前应是无色透明，如有变色，请勿使用)；

8.10 终止：每孔加终止液100 µL，蓝色变黄色。终止液与TMB显色液的加样顺序一致；(注意：眼睛和皮肤避免接触终止液)

8.11 读数：以630 nm为校正波长，用酶标仪在450 nm波长测量各孔的光密度(OD值)。加入终止液后5 min内进行读数，若无630 nm 波长，也可直接使用450 nm 波长读数；

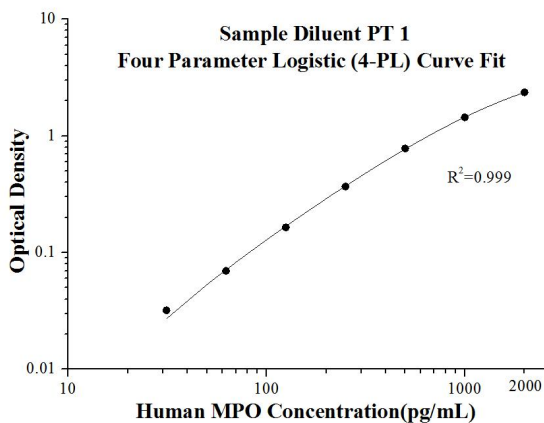
8.12 数据分析：每个标准品和样本的OD值需减去零孔的OD值，设置复孔，取其平均值。以标准品的浓度为横坐标，OD 值为纵坐标，使用专业软件(如Origin、ELISACalc等)进行四参数拟合(4-PL)，根据样本的OD值由标准曲线推算出拟合浓度，乘以稀释倍数得到样本的实测浓度。

操作流程如下：

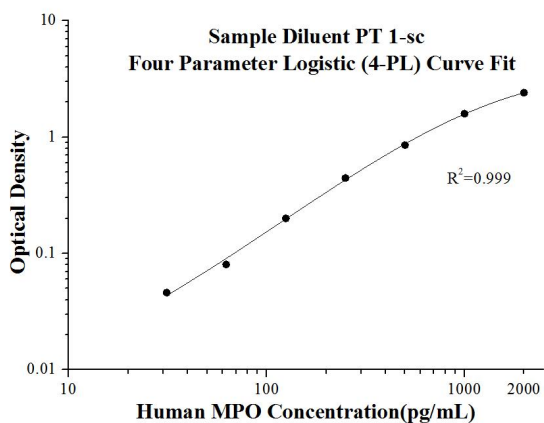
步骤	试剂	体积	孵育时间	洗涤次数	孵育温度
1	标准品或样本	100 μ L	120 分钟	4 次	覆膜后37°C孵育
2	检测抗体 (1 \times)	100 μ L	60 分钟	4 次	覆膜后37°C孵育
3	HRP标记链霉亲和素 (1 \times)	100 μ L	40 分钟	4 次	覆膜后37°C孵育
4	显色 TMB	100 μ L	15-20 分钟	不需要洗涤	覆膜后37°C孵育，避光
5	终止液	100 μ L	0 分钟	不需要洗涤	-
6	加入终止液后以630 nm为校正波长，在450 nm处测量OD值，此过程建议不超过5分钟				

九：实验参数

9.1 参考标曲图



(pg/mL)	O.D	Average	Corrected
0	0.044 0.049	0.047	-
31.25	0.079 0.078	0.079	0.032
62.5	0.111 0.121	0.116	0.070
125	0.204 0.217	0.211	0.164
250	0.406 0.422	0.414	0.368
500	0.794 0.857	0.826	0.779
1000	1.496 1.48	1.488	1.442
2000	2.387 2.427	2.407	2.361



(pg/mL)	O.D	Average	Corrected
0	0.096 0.107	0.102	-
31.25	0.135 0.16	0.148	0.046
62.5	0.178 0.186	0.182	0.081
125	0.299 0.304	0.302	0.200
250	0.547 0.545	0.546	0.445
500	0.963 0.946	0.955	0.853
1000	1.648 1.727	1.688	1.586
2000	2.487 2.522	2.505	2.403

9.2 精密度

板内精密度：3个不同浓度的样本在板内重复测定 20次；

板间精密度：3个不同浓度的样本在板间重复测定 24次。

板内精密度 (CV内)					板间精密度 (CV间)				
样本	数量	平均值 (pg/mL)	标准差	变异系数CV%	样本	数量	平均值 (pg/mL)	标准差	变异系数CV%
1	20	974.4	19.5	2.0	1	24	961.5	36.4	3.8
2	20	239.6	6.8	2.8	2	24	242.7	12.7	5.2
3	20	50.9	4.0	7.8	3	24	53.4	4.4	8.3

9.3 加标回收率

样本稀释后，在标曲范围内选择高、中、低3个浓度，进行人MPO的加标回收率实验，结果如下：

样本类型	稀释倍数	均值 (%)	范围 (%)
人血清	1:1600	111	88-126
	1:3200	90	80-105
细胞上清	1:80	98	89-117
	1:160	95	81-125
细胞裂解液	1:15000	102	91-110
	1:30000	108	97-125
唾液	1:6000	96	88-110
	1:12000	96	87-106

9.4 样本值

应用本试剂盒，检测来自健康人的血清和唾液样本中的人MPO的浓度。

样本类型	均值 (ng/mL)	范围 (ng/mL)
人血清 (n=16)	639	310-1071
唾液 (n=8)	1392	131-3611

细胞上清：

在含有10%的胎牛血清、2 mM L-谷氨酰胺、100 U/ml青霉素和100 µg/ml硫酸链霉素的DMEM培养基中培养人早幼粒白血病细胞HL-60，收集细胞上清，检测人MPO的浓度为7.4 ng/mL。

组织裂解液：

取目的组织用4°C的1X PBS洗，将组织在冰上切成小块。将组织转移到匀浆器中，并加入含有蛋白酶抑制剂的提取试剂。通常，大约每10 mg组织含有500 µL提取试剂。匀浆充分并将样品置于冰上30分钟。超声破碎后以10000 x g离心，然后取上清液检测。

细胞种类	人MPO (ng/mL)	总蛋白 (mg/mL)
HL-60	1548	6

9.5 灵敏度

用20个重复的零孔平均OD值加上两倍标准差得到的OD值带入标准曲线拟合出对应的浓度值，此试剂盒中人MPO的灵敏度为9.1 pg/mL。

9.6 线性

用对应样本稀释液稀释样本，使稀释后的检测值处于标曲范围内，线性数据如下：

(人血清样本预先稀释200倍；细胞上清样本预先稀释10倍；细胞裂解液样本预先稀释2000倍；唾液样本预先稀释1000倍)

稀释倍数		人血清 (样本稀释液 PT 1)	细胞上清 (样本稀释液 PT 1-sc)	细胞裂解液 (样本稀释液 PT 1-sc)	唾液 (样本稀释液 PT 1)
1:2	均值 (%)	100	100	100	100
	范围 (%)	-	-	-	-
1:4	均值 (%)	94	112	106	99
	范围 (%)	90-100	100-128	103-108	91-109
1:8	均值 (%)	90	115	116	96
	范围 (%)	82-102	108-119	111-122	88-104
1:16	均值 (%)	108	117	105	115
	范围 (%)	96-121	108-127	77-122	111-120

十：参考文献

- Bainton, & D., F. . (1971). The development of neutrophilic polymorphonuclear leukocytes in human bone marrow: origin and content of azurophil and specific granules. *Journal of Experimental Medicine*, 134(4), 907-934.
- Seymour J. Klebanoff. (1970). Myeloperoxidase: contribution to the microbicidal activity of intact leukocytes. *Science*, 169(3950), 1095-1097.
- Heinecke JW: Mechanisms of oxidative damage of low density lipoprotein in human atherosclerosis. *Curr Opinion Lip* 1997; 8:268-274.
- Hazen SL, Heinecke JW: 3-chlorotyrosine, a specific marker of myeloperoxidase-catalyzed oxidation, is markedly elevated in low density lipoproteins isolated from human atherosclerotic intima. *J Clin Invest* 1997; 99: 2075-2081.
- Re G, Azzimondi G, Bassein L, Vaona I, Guarnieri C: Plasma lipoperoxidative markers in ischaemic stroke suggest brain embolism. *Eur J Emerg Med* 1997; 4: 5-9.
- MacMahon S, Peto R, Cutler J et al: Blood pressure, stroke, and coronary heart disease. Part 1, prolonged differences in blood pressure: prospective observational studies corrected for the regression dilution bias. *Lancet* 1990; 335: 765-774.
- Deuschl F G , Klinke A , Friedrichs K , et al. Myeloperoxidase is Critically Linked to the Development of Diastolic Heart Failure Following Pressure Overload[J]. *The Journal of Heart and Lung Transplantation*, 2014, 33(4):S164.
- Hoy A, Trégouet, David, Leininger-Muller B , et al. Serum myeloperoxidase concentration in a healthy population: biological variations, familial resemblance and new genetic polymorphisms[J]. *European Journal of Human Genetics* *Ejhg*, 2001, 9(10):780-786.